



18 Dicembre 2007 ore 9.30

# Metodi e Strumenti per l'Analisi dei Dati di Espressione Genica

Sala Conferenze

Area della Ricerca CNR — Via Pietro Castellino, 111 — 80131 Napoli

## Relatori

**Claudia Angelini**

Istituto per le Applicazioni del Calcolo — CNR

**Antonio D'Acierno**

Istituto per le Scienze Alimentari — CNR

**Marilù Chiusano**

Università di Napoli

**Mario R. Guarracino**

ICAR — CNR

**Raffaele Giancarlo**

Università di Palermo

**Ignazio Infantino**

ICAR — CNR

**Lucia Maddalena**

ICAR — CNR

**Rosanna Martinelli**

CEINGE — Università di Napoli

**Lorenzo Verdoscia**

ICAR — CNR

L'analisi dei dati di espressione genica prodotti da microarray rappresenta uno dei problemi di maggiore rilievo nell'ambito della biologia computazionale. La complessità dei dati e il numero elevato di metodi e strumenti di analisi disponibili rappresenta una barriera invalicabile per il ricercatore che vuole comprendere appieno il risultato dei propri esperimenti.

Scopo del presente tutorial è fornire sia una panoramica dei metodi e algoritmi per l'analisi dei dati di microarray, sia i rudimenti per il corretto utilizzo degli strumenti.

Il corso è rivolto a dottorandi e ricercatori:

- biologi e medici che vogliono utilizzare al meglio gli strumenti a disposizione,
- matematici, statistici e informatici che vogliono capire come gli algoritmi e i metodi di loro competenza trovano applicazione nelle scienze della vita.

L'iscrizione al tutorial è gratuita. Per garantire a tutti i partecipanti la migliore accoglienza e per motivi organizzativi e tecnici, preghiamo di confermare la presenza.

ISTITUTO DI CALCOLO E RETI AD ALTE PRESTAZIONI  
ICAR - CNR

Area della Ricerca C.N.R.  
Via P. Castellino, 111

Tel.: 081-6139508  
Fax: 081 6139531