

Organizzazione



Istituto di Scienze dell'Alimentazione
Consiglio Nazionale delle Ricerche
Via Roma 52A/C 83100 Avellino
<http://www.isa.cnr.it>

Per informazioni:
Angelo Facchiano
angelo.facchiano@isa.cnr.it

<http://bioinformatica.isa.cnr.it/BBCC2006/>

Hanno partecipato all'iniziativa:



Società Italiana di Bioinformatica
<http://www.bioinformatics.it>

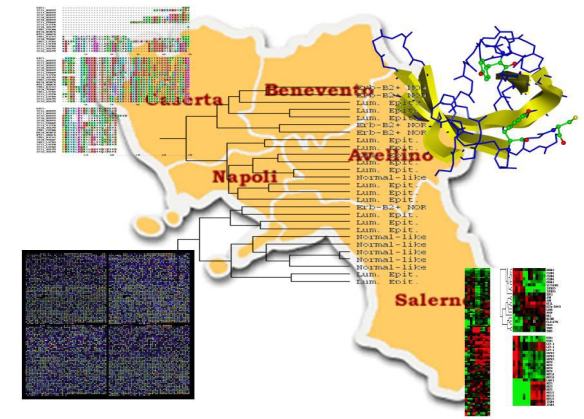


Hormone Responsive Breast Cancer
(HRBC) Genomics Network

Funded by FIRB-MIUR

<http://www.hrbc-genomics.net>

Bioinformatica e Biologia Computazionale in Campania



*Istituto di Scienze
dell'Alimentazione*

Consiglio Nazionale delle Ricerche

18 Dicembre 2006, Avellino

<http://bioinformatica.isa.cnr.it/BBCC2006/>

PROGRAMMA

10.00 Registrazione

Introduzione al Convegno e Prima Sessione

- 10.30 **Antonio Malorni**
Direttore ISA - CNR
- 10.45 **Angelo Facchiano**
ISA-CNR
(FIRB – HRBC network)
- 11.10 **Giovanni Colonna**
Seconda Università di Napoli
(FIRB – HRBC network)
- 11.30 **Claudia Angelini**
IAC - CNR
*Un approccio Bayesiano per l'analisi di
esperimenti di time-course con
microarrays*
- 11.45 **Margherita Mutarelli**
Seconda Università di Napoli e ISA – CNR
(FIRB – HRBC network)
*Strumenti bioinformatici per l'analisi
dell'espressione genica con i microarray*
- 12.00 **Mario Guarracino**
ICAR-CNR
*Apprendimento supervisionato per
problemi di espressione genica*
- 12.15 **Francesco Napolitano**
Università di Salerno
*Clustering e visualizzazione interattivi per
l'analisi di dati genomici*
- 12.30 Discussione
- 13.00 Pausa

Seconda Sessione

- 14.00 **Silvia Giuliani**
CINECA – Bologna (FIRB-HRBC network)
Infrastruttura per dati di microarray
- 14.15 **Anna Marabotti**
ISA – CNR (FIRB-HRBC network)
*Simulazioni dell'interazione DNA-proteina
con un "natural force field"*
- 14.30 **Giovanni Paoletta**
CEINGE - Napoli
*Bioinformatica per la genomica:
identificazione ed annotazione di elementi
funzionali*
- 14.45 **Antonella Paladino**
IBB – CNR
*Le basi strutturali della formazione di fibre
amiloidi nella Corea di Huntington*
- 15.00 **Flavia Autore**
Università di Napoli Federico II
*Interazione di anticorpi inibitori del
parassita della malaria con la proteina di
superficie MSP119 mediante docking
computazionale*
- 15.15 **Susan Costantini**
Seconda Università di Napoli e ISA – CNR
(FIRB – HRBC network)
*Sviluppo ed applicazione di un metodo di
predizione di struttura secondaria delle
proteine*
- 15.30 **Antonio Mucherino**
Seconda Università di Napoli
*Un metodo geometrico ab-initio per la
simulazione di fold proteici*
- 15.45 **Bruno Pagano**
Università di Salerno
*Simulazioni di dinamica molecolare di
quadruple eliche di DNA e RNA*
- 16.00 Pausa

Terza Sessione

- 16.30 **Maria Luisa Chiusano**
Università di Napoli Federico II
*Bioinformatica per la genomica di
organismi di interesse agrario*
- 16.45 **Romina Oliva**
Università Parthenope
*Competenze bioinformatiche all'Università
Parthenope: qualche esempio di strumenti
e applicazioni*
- 17.00 **Antonio d’Acerno**
ISA – CNR
*Applicazioni Web per la Gestione di Dati
Complessi*
- 17.15 **Antonio Maratea**
Università del Sannio
*Predizione ab initio di splicing alternativo
tramite metodi di machine learning*
- 17.30 **Pasquale Capasso**
Università di Napoli Federico II
*Integrazione di banche dati
bioinformatiche basata su un'ontologia di
livello*
- 17.45 Discussione finale e Conclusioni